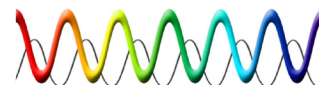


CENTER FOR STRUCTURAL STUDIES

 GEBÄUDE 26.02, 1. ETAGE, RÄUME 62A/62B/66/68/70
 GEBÄUDE 26.43, ETAGE U1, RAUM 38

Auftragsformular - PROTEINKRISTALLISATION

Name des Auftraggebers _____

Adresse (Institut, Arbeitsgruppe) _____

Telefon-Nr., E-Mail _____

 Ich (Kostenstellenverantwortlicher) habe die Nutzungs- und die Gebührenordnung gelesen und akzeptiere beides (<http://www.css.hhu.de/kontakt-und-service/nutzungs-und-gebuehrenordnung.html>).

Alle Nutzer des CSS sind verpflichtet, in ihren Publikationen der DFG zu danken:
"The Center for Structural Studies is funded by the Deutsche Forschungsgemeinschaft (DFG Grant number 417919780)."

Für Röntgenstruktur-Daten bitte auch „INST 208/740-1 FUGG“ (Röntgendiffraktometer) angeben, für SAXS-Daten bitte „INST 208/761-1 FUGG“ (SAXS-Anlage) angeben.

Datum _____ Unterschrift des Kostenstellenverantwortlichen _____

 Screening Apoenzym Screening mit Substrat(en)

 Beigefügte(s) Substrat(e) (Name, Konzentration, K_M -Wert) _____

Sofern bekannt, wie viele Screens sollen durchgeführt werden (96 Bedingungen pro Screen)? _____

Proteinbezeichnung/Akronym _____

 lösliches Protein Membranprotein

Datum der Reinigung _____

 Ist das Protein getaggt? nein

 ja (welcher Tag, N- oder C-terminal?) _____

 Signalpeptid _____

 Modifikationen? (z. B. Phosphorylierung, Selenomethionin): _____

Lagern/stabil bei [°C] _____

Größe [kDa], oligomerer Zustand _____

Proteinkonzentration [mg/ml] _____

Proteinmenge gesamt [µl] _____

Zusammensetzung Proteinpuffer _____

Sind bestimmte Zusätze (z. B. Metall-Ionen, Kofaktoren etc.) für die Aktivität oder Stabilität essentiell? Wenn ja, welche? _____

Enthält das Protein Tryptophan(e)? Wenn ja, wie viele? _____

Beigefügte Informationen/Analysen:

 SDS-Page

(! = obligatorisch)

 Gelfiltration

 Proteinpuffer !

 Proteinsequenz (inklusive Tag etc.) (word-file) !

 Aktivitätstest
